



département
Mathématiques

Master MAS, parcours M2 SMSD, Université Claude Bernard Lyon 1
Régressions et Grande Dimension,
Année 2024-2025

Examen du 19 février 2025,
Documents écrits et calculatrice autorisés,
Appareils connectables interdits.
Durée 2h30.

Note: Les cinq exercices utilisent des données qui se trouvent dans les packages R `carData`, `AER` et elles ont été traitées avec le logiciel R. Vous trouvez les codes R et les sorties associées sur les feuilles suivantes. Lire avec attention les consignes spécifiées entre parenthèses pour répondre à certaines questions. Pour les tests d'hypothèse il faut prendre le risque $\alpha = 0.05$.

Les exercices 1, 2, 3, 4 utilisent les données *Soils* du package R `carData`. Les caractéristiques du sol ont été mesurées sur des échantillons provenant de trois types de contours (sommet, pente, dépression) et à quatre profondeurs. La zone a été divisée en 4 blocs, selon un plan de blocs aléatoires. Les variables mesurées et utilisées dans les exercices 1, 2, 3, 4 sont:

- *pH*: le pH du sol
- *N*: la concentration d'azote
- *Dens*: la densité apparente en gm/cm^3
- *P*: total du phosphore en ppm
- *Ca*, *Mg*, *K*, *Na*: les concentrations de calcium, magnésium, phosphore, sodium
- *Conduc*: la conductivité
- La variable *Group* prend douze valeurs, de 1 à 12.
- La variable *Block* prend quatre valeurs: 1, 2, 3, 4.

Pour les exercices 1, 2 et 4, la variable expliquée sera *pH* ou son logarithme.

Remarque: Si parmi les modèles (M1), ..., (M7) certains ont la même forme statistique, il faut le spécifier, sans réécrire la forme statistique.

Exercice 1. (9 points)

- 1) En vous aidant du code R, donnez la forme statistique du modèle (M1). Il s'agit de quel type de modèle? (1 point)
- 2) Quels sont les paramètres du modèle (M1) et par quelle méthode ils ont été estimés? (0.75 points)
- 3) Testez si le modèle (M1) est significatif. (spécifiez: les hypothèses H_0 , H_1 , les modèles correspondants, statistique de test et sa loi sous H_0 , valeur de la statistique de test, conclusion). (1.25 points)
- 4) Si le modèle (M1) est significatif, quelles sont les variables qui influent la variable expliquée? (il faut donner les détails seulement pour une seule variable. Ces détails sont: hypothèses H_0 , H_1 , modèles correspondants, statistique de test et sa loi sous H_0 , valeurs de la statistique, conclusion. Pour les autres variables explicatives, donnez seulement la conclusion.) Donc, quelles sont les variables qu'il faut enlever du modèle (M1)? (1.5 points)
- 5) Donnez les estimations des paramètres du modèle (M1). Interprétez ces estimations. (0.75 points)
- 6) Quelle est la qualité globale d'ajustement du modèle (M1)? Interprétation. (0.25 points)
- 7) Donnez la définition des résidus pour le modèle (M1), plus précisément comment ils sont calculés. Pour le

modèle (M1), est-ce que ces résidus sont de loi Normale? Justification pas un test d'hypothèse (écrire les deux hypothèses H_0 et H_1 , la valeur de la statistique de test, la p-value et l'interprétation). (1 point)

8) Donnez la forme statistique du modèle (M2) et du modèle (M3). (0.25 points)

9) Par quelle méthode ont été estimés les coefficients du modèle (M3)? Donnez la forme du processus aléatoire qui a permis d'obtenir les estimations. (1 point)

10) Commentez le nuage de points des coefficients estimés par les modèles (M2) et (M3). (0.5 points)

11) Donnez la forme statistique du modèle (M4). Les résidus standardisés du (M4) sont-ils de loi normale (spécifiez seulement la pvalue et la conclusion)? (0.75 points)

Exercice 2. (4 points)

1) En vous aidant du code R, donnez la forme statistique du modèle (M5). Il s'agit de quel type de modèle? (1.25 points)

2) Testez si le modèle (M5) est significatif. (spécifiez: les hypothèses H_0 , H_1 , les modèles correspondants, statistique de test et sa loi sous H_0 , valeur de la statistique de test, conclusion). (0.75 points)

3) Donnez les estimations des paramètres du modèle (M5). Interprétation. (1 point)

4) Si le modèle (M5) est significatif, quelles sont les variables qui influent la variable expliquée? (1 point)

Exercice 3. (3.5 points)

Dans cet exercice on calcule une nouvelle variable, notée $ilpH$, qui prend deux valeurs: 0 si $\log(pH) \leq 1.5$ et 1 si $\log(pH) > 1.5$.

1) En vous aidant du code R, donnez la forme statistique du modèle (M6). Il s'agit de quel type de modèle? (1.25 points)

2) Pour le modèle (M6), quelles variables explicatives ont une influence sur la variable expliquée? (donnez les détails suivants pour une seule variable explicative: les hypothèses H_0 , H_1 , les modèles correspondants, statistique de test et sa loi sous H_0 , conclusion. Pour les autres variables explicatives, donnez seulement la conclusion). (1.25 points)

3) Commentez la prévision (notée dans le code R par $prev6$) faite par le modèle (M6). (0.5 points)

Exercice 4. (2.25 points)

1) Donnez la forme statistique du modèle (M7). Par quelle méthode d'estimation les coefficients de ce modèle sont estimés? Ecrivez la forme du processus aléatoire qui a permis d'obtenir ces estimateurs. (1 point)

2) Pour le modèle (M7), quelles sont les variables qui influent la variable expliquée? (il faut donner les détails seulement pour une seule variable. Ces détails sont: hypothèses H_0 , H_1 , modèles correspondants, statistique de test et sa loi sous H_0 , valeurs de la statistique, conclusion. Pour les autres variables explicatives, donnez seulement la conclusion.) Donc, quelles sont les variables qu'il faut enlever du modèle (M7)? (1.25 points)

Exercice 5. (1.25 points)

Dans cet exercice on utilise les données "NMES1988" du package *AER*. Les données concernent une enquête nationale américaine sur des dépenses médicales en 1987 et 1988.

Les variables utilisées sont:

- *visits*: le nombre de visites (consultations) faites par une personne au cabinet médical;
- *age*: l'âge (divisée par 10) de la personne ;
- *chronic*: le nombre de maladies chroniques d'une personne.

1) Pour le modèle (M8), quelle est la loi de la variable expliquée? (0.5 points)

2) Donnez les estimations des paramètres du modèle (M8). Spécifier la valeur du critère AIC. (0.5 points)

3) Pour le modèle (M8), quelles variables explicatives ont une influence sur la variable expliquée? (donnez seulement les pvalues et la conclusion). (0.25 points)

```
library(glmnet)
library(AER)
library(quantreg)
library(carData)
```

CODE R

```
##### EXERCICE 1 #####
```

```
data("Soils")
attach(Soils)
lpH=log(pH)
M1=lm(lpH~N+Dens+P+Ca+Mg+K+Na+Conduc)
summary(M1)
shapiro.test(residuals(M1))
coefM1=coef(M1)
#####
n=length(lpH)
la=n^(-3/5)
g=2/5; # gamma
xx=cbind(N,Dens,P,Ca,Mg,K,Na,Conduc)
M2=glmnet(x=xx,y=lpH,family = "gaussian",intercept = F,lambda = 0)
coefM2=coef(M2)
cat("coef modele M2 \n")
print(coefM2)
plot(coefM2[2:length(coefM2)], main="Modele M2")
abline(h=0, lty=3);
#####
wj=(1/abs(coefM2[2:length(coefM2)]))^g; # les poids pour LASSO adaptatif
lam=la*wj;
M3=glmnet(x=xx,y=lpH,family = "gaussian",intercept = F,penalty.factor = lam,lambda = 1)
coefM3=coef(M3)
cat("coef modele M3 \n")
print(coefM3)
plot(coefM3[2:length(coefM3)], main="Modele M3")
abline(h=0, lty=3);
#####
xM3=xx[, coefM3[2:length(coefM3)]!=0]; # var X qui ont des estimations differentes de 0
M4=lm(lpH~xM3-1);
summary(M4)
shapiro.test(residuals(M4))
```

```
##### EXERCICE 2 #####
```

```
Group=factor(Group)
Contour=factor(Contour)
Depth=factor(Depth)
Block=factor(Block)

M5=lm(lpH~Group+Block,
      contrasts=list(Group=contr.sum,Block=contr.sum))
shapiro.test((residuals(M5)))
summary(M5)
cat("\n ANOVA DE TYPE III \n ")
print(Anova(M5,type="III"))
```

```
##### EXERCICE 3 #####
```

```
ilpH=vector(mode="numeric",length = n)
ilpH[lpH>1.5]=1
M6=glm(ilpH ~ Ca+Na+Conduc+Block, family="binomial")
summary(M6);
pi6=predict(M6,type = "response")
prev6=vector(mode="numeric",length=length(pi6))
prev6[pi6>0.5]=1 ### pr?vision de "remiss" par le mod?le "m2"
cat("Tableau de contingence obtenu par le mod?le M6 \n")
```

```
table(ilpH, prev6)
```

```
##### EXERCICE 4 #####
```

```
M7=rq(pH~xx, tau=0.5)
```

```
summary(M7,se="iid")
```

```
##### EXERCICE 5 #####
```

```
data("NMES1988")
```

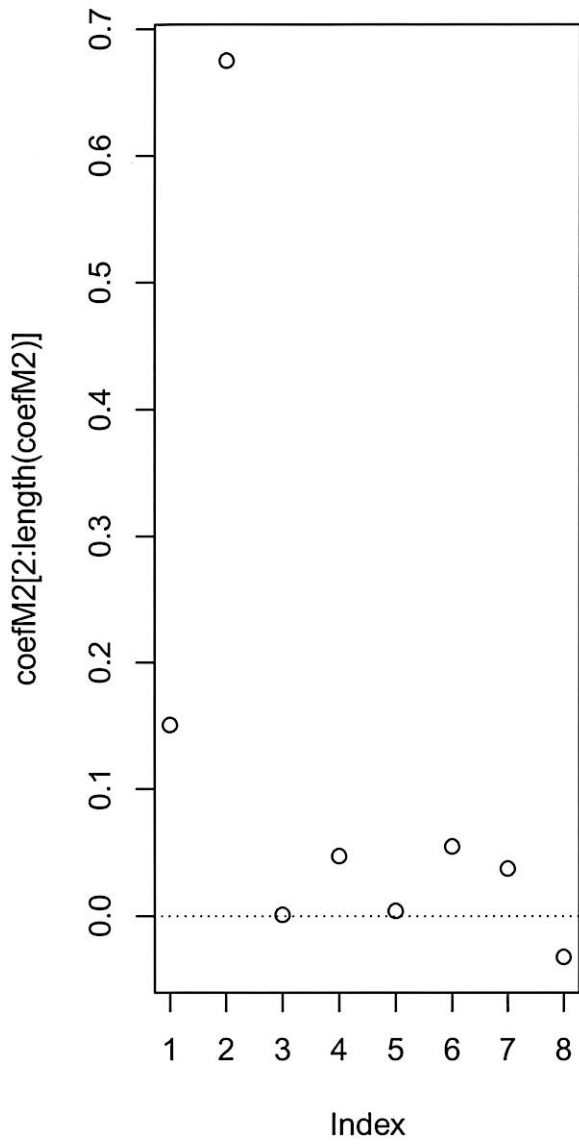
```
attach(NMES1988)
```

```
M8 = glm(visits ~chronic+age, data = NMES1988, family = poisson)
```

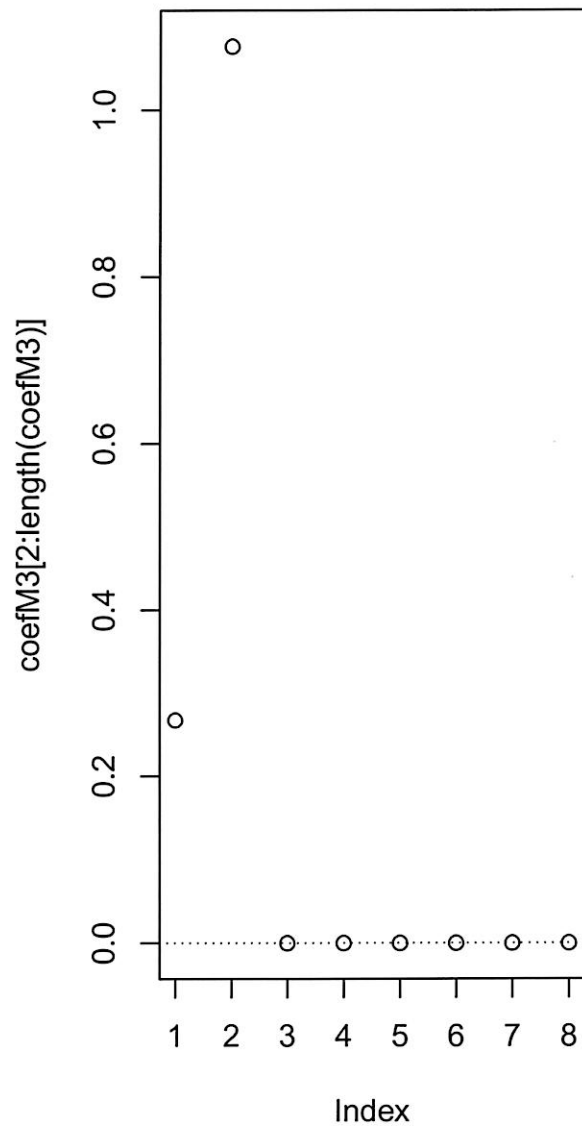
```
summary(M8)
```

Graphiques des estimations

Modele M2



Modele M3



EXERCICE 1

SORTIES R1

Call:

lm(formula = lpH ~ N + Dens + P + Ca + Mg + K + Na + Conduc)

Residuals:

	Min	1Q	Median	3Q	Max
	-0.112383	-0.047214	-0.008883	0.043852	0.206348

Coefficients:

	Estimate	Std. Error	t value	Pr(> t)
(Intercept)	1.3115474	0.2153750	6.090	3.89e-07 ***
N	-0.4227133	0.4709317	-0.898	0.374901
Dens	0.1502142	0.1065492	1.410	0.166521
P	0.0003225	0.0002768	1.165	0.251014
Ca	0.0299127	0.0079005	3.786	0.000516 ***
Mg	-0.0108828	0.0099520	-1.094	0.280872
K	-0.0853177	0.0797989	-1.069	0.291572
Na	0.0350157	0.0167175	2.095	0.042756 *
Conduc	-0.0444470	0.0149712	-2.969	0.005091 **

Signif. codes: 0 *** 0.001 ** 0.01 * 0.05 . 0.1 1

Residual standard error: 0.07375 on 39 degrees of freedom

Multiple R-squared: 0.7716, Adjusted R-squared: 0.7247

F-statistic: 16.47 on 8 and 39 DF, p-value: 2.477e-10

Shapiro-Wilk normality test

data: residuals(M1)

W = 0.96418, p-value = 0.1489

coef modele M2

9 x 1 sparse Matrix of class "dgCMatrix"
s0

(Intercept)	.
N	0.150625395
Dens	0.675272167
P	0.001099349
Ca	0.047493381
Mg	0.004249844
K	0.055027391
Na	0.037630623
Conduc	-0.032213110

coef modele M3

9 x 1 sparse Matrix of class "dgCMatrix"
s0

(Intercept)	.
N	0.2673168
Dens	1.0767881
P	.
Ca	.
Mg	.
K	.
Na	.
Conduc	.

Call:

lm(formula = lpH ~ xM3 - 1)

Residuals:

	Min	1Q	Median	3Q	Max
	-0.29588	-0.09155	-0.00638	0.12448	0.35926

(M1)

(M2)

(M3)

(M4)

Coefficients:

	Estimate	Std. Error	t value	Pr(> t)
xM3N	3.94113	0.27101	14.54	<2e-16 ***
xM3Dens	0.85299	0.02473	34.50	<2e-16 ***

Signif. codes: 0 *** 0.001 ** 0.01 * 0.05 . 0.1 1

Residual standard error: 0.1512 on 46 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.9907, Adjusted R-squared: 0.9903
F-statistic: 2457 on 2 and 46 DF, p-value: < 2.2e-16

Shapiro-Wilk normality test

data: residuals(M4)
W = 0.98524, p-value = 0.8009

EXERCISE 2

Shapiro-Wilk normality test

data: (residuals(M5))
W = 0.9565, p-value = 0.07289

Call:
lm(formula = lpH ~ Group + Block, contrasts = list(Group = contr.sum,
Block = contr.sum))

Residuals:

	Min	1Q	Median	3Q	Max
	-0.126323	-0.033000	0.007479	0.029166	0.200206

Coefficients:

	Estimate	Std. Error	t value	Pr(> t)
(Intercept)	1.53121	0.01023	149.719	< 2e-16 ***
Group1	0.14183	0.03392	4.181	0.000201 ***
Group2	0.04604	0.03392	1.357	0.183922
Group3	-0.09611	0.03392	-2.833	0.007795 **
Group4	-0.17261	0.03392	-5.089	1.42e-05 ***
Group5	0.17370	0.03392	5.121	1.29e-05 ***
Group6	0.12198	0.03392	3.596	0.001042 **
Group7	-0.08476	0.03392	-2.499	0.017619 *
Group8	-0.16342	0.03392	-4.818	3.15e-05 ***
Group9	0.14575	0.03392	4.297	0.000144 ***
Group10	0.05176	0.03392	1.526	0.136516
Group11	-0.06007	0.03392	-1.771	0.085816 .
Block1	-0.04131	0.01771	-2.332	0.025965 *
Block2	0.01279	0.01771	0.722	0.475336
Block3	-0.01571	0.01771	-0.887	0.381687

Signif. codes: 0 *** 0.001 ** 0.01 * 0.05 . 0.1 1

Residual standard error: 0.07086 on 33 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.8216, Adjusted R-squared: 0.7459
F-statistic: 10.86 on 14 and 33 DF, p-value: 1.281e-08

ANOVA DE TYPE III
Anova Table (Type III tests)

Response: lpH

	Sum Sq	Df	F value	Pr(>F)
(Intercept)	112.542	1	22415.7546	< 2.2e-16 ***
Group	0.714	11	12.9337	5.125e-09 ***
Block	0.049	3	3.2441	0.03427 *
Residuals	0.166	33		

Signif. codes: 0 *** 0.001 ** 0.01 * 0.05 . 0.1 1

EXERCICE 3

Call:

glm(formula = ilpH ~ Ca + Na + Conduc + Block, family = "binomial")

Deviance Residuals:

	Min	1Q	Median	3Q	Max
	-1.71394	-0.33263	0.04593	0.17768	2.46528

Coefficients:

	Estimate	Std. Error	z value	Pr(> z)
(Intercept)	-3.0127	5.8394	-0.516	0.6059
Ca	0.5189	0.4758	1.090	0.2755
Na	1.4919	0.9948	1.500	0.1337
Conduc	-1.8519	0.9726	-1.904	0.0569 .
Block2	4.3650	2.2552	1.936	0.0529 .
Block3	4.2860	2.4408	1.756	0.0791 .
Block4	3.2055	2.0618	1.555	0.1200

Signif. codes: 0 *** 0.001 ** 0.01 * 0.05 . 0.1 1

(Dispersion parameter for binomial family taken to be 1)

Null deviance: 66.459 on 47 degrees of freedom
Residual deviance: 21.250 on 41 degrees of freedom
AIC: 35.25

Number of Fisher Scoring iterations: 7

Tableau de contingence obtenu par le modèle M6

	prev6
ilpH 0	1
0	21 2
1	3 22

EXERCICE 4

Call: rq(formula = pH ~ xx, tau = 0.5)

tau: [1] 0.5

Coefficients:

	Value	Std. Error	t value	Pr(> t)
(Intercept)	5.43716	0.78078	6.96373	0.00000
xxN	-4.32324	1.70723	-2.53231	0.01547
xxDens	-0.09391	0.38626	-0.24313	0.80918
xxP	0.00268	0.00100	2.66775	0.01106
xxCa	0.10366	0.02864	3.61924	0.00084
xxMg	-0.10682	0.03608	-2.96075	0.00520
xxK	-0.32616	0.28929	-1.12745	0.26644
xxNa	0.10109	0.06060	1.66805	0.10332
xxConduc	-0.16310	0.05427	-3.00519	0.00462

EXERCICE 5

Call:

```
glm(formula = visits ~ chronic + age, family = poisson, data = NMES1988)
```

Deviance Residuals:

Min	1Q	Median	3Q	Max
-6.4097	-2.0997	-0.7320	0.8036	17.5450

Coefficients:

	Estimate	Std. Error	z value	Pr(> z)
(Intercept)	1.699101	0.074041	22.948	< 2e-16 ***
chronic	0.199526	0.004083	48.870	< 2e-16 ***
age	-0.039542	0.010013	-3.949	7.85e-05 ***

Signif. codes: 0 *** 0.001 ** 0.01 * 0.05 . 0.1 1

(Dispersion parameter for poisson family taken to be 1)

Null deviance: 26943 on 4405 degrees of freedom
Residual deviance: 24752 on 4403 degrees of freedom
AIC: 37533

Number of Fisher Scoring iterations: 5

(MP)